



Daten- und IT-Manager*in für Omics-Daten

Institut für Genetik und Cluster of Excellent in Aging Research (CECAD)

Wir sind eine der größten und ältesten Universitäten Europas und gehören zu den größten Arbeitgeber*innen in unserer Region. Durch unser breites Fächerspektrum, die dynamische Entwicklung unserer Forschungsschwerpunkte und unseren Standort mitten in Köln sind wir attraktiv für Studierende und Forschende weltweit. Wir bieten vielfältige Karrierechancen in Wissenschaft, Technik und Verwaltung.

Die Poetsch-Gruppe sucht eine*n Daten- und IT-Manager*in, die*der das Team bei der Erforschung von Genomen und deren Veränderungen im Alter sowie bei der Entstehung von Krebs unterstützt. Der Schwerpunkt der Stelle liegt auf der gemeinsamen Entwicklung einer Infrastruktur zur Datenanalyse im Bereich Hochleistungsrechnen mit Omics-Daten.

IHRE AUFGABEN

- » Entwurf und Umsetzung standardisierter Ordnerhierarchien und Namenskonventionen für alle HPC-Speichersysteme
- » gemeinsame Umsetzung von Standardarbeitsanweisungen für die Datenanalyse, Softwareentwicklung und Datenanalyse-Pipelines, einschließlich für maschinelles Lernen und Deep Learning
- » Entwicklung und Pflege von Metadatenschemata zur Ermöglichung einer effizienten Datenermittlung, -abruf und eines Datenlebenszyklusmanagements
- » Erstellung und Durchsetzung von Richtlinien zur Datenorganisation und Best Practices für Forschungsteams
- » Implementierung von Quotenmanagement und Zusammenarbeit mit Anwendern zur Optimierung der Speichereffizienz
- » Beratung von Forschenden zu Best Practices der Datenorganisation
- » Erstellung von Dokumentationen, Vorlagen und Standardarbeitsanweisungen

IHR PROFIL

- » Bachelor- oder Masterabschluss in Informatik, Bioinformatik oder einem IT-nahen Studienfach
- » fundierte Erfahrung mit Linux-/Unix-Befehlszeilenumgebungen
- » Vertrautheit mit HPC-Speicherarchitekturen und parallelen Dateisystemen
- » ausgeprägte Detailgenauigkeit und systematische Herangehensweise an die Datenklassifizierung
- » Verständnis für wissenschaftliche Forschungsabläufe und Datentypen
- » ausgezeichnete Kommunikationsfähigkeiten für die Zusammenarbeit mit unterschiedlichen technischen und nicht-technischen Anwendern
- » sehr gute Kenntnisse in Python und R für die Datenanalyse
- » Vertrautheit mit Tools wie samtools und Nextflow

- » sehr gute zwischenmenschliche und kommunikative Fähigkeiten; insbesondere die Fähigkeit, effektiv in einem vielfältigen, kooperativen und interdisziplinären Forschungsumfeld zu arbeiten
- » sehr gute Englischkenntnisse in Wort und Schrift sind unbedingte Voraussetzung

WIR BIETEN IHNEN

- » die Möglichkeit, sich in modernsten Bioinformatik-Methoden, einschließlich Deep Learning, im Bereich Genomdaten weiterzubilden
- » ein vielfältiges und chancengerechtes Arbeitsumfeld
- » Unterstützung bei der Vereinbarkeit von Beruf und Familie
- » flexible Arbeitszeitmodelle
- » ein umfangreiches Weiterbildungsangebot
- » Angebote im Rahmen des Betrieblichen Gesundheitsmanagements

Die Universität zu Köln fördert Chancengerechtigkeit und Vielfalt. Bewerbungen von Frauen werden nach Maßgabe des LGG NRW bevorzugt berücksichtigt. Wir begrüßen ausdrücklich alle Bewerbungen – unabhängig von Geschlecht, Nationalität, ethnischer und sozialer Herkunft, Religion, Behinderung, Alter sowie sexueller Orientierung und Identität.

Die Stelle ist ab 01.07.2026 oder zum frühestmöglichen Zeitpunkt in Vollzeit (39,83 Wochenstunden) zu besetzen. Sie ist unbefristet. Sofern die entsprechenden tariflichen und persönlichen Voraussetzungen vorliegen, richtet sich die Vergütung nach der Entgeltgruppe II TV-L.

Bitte bewerben Sie sich in englischer Sprache mit Ihren aussagekräftigen Bewerbungsunterlagen und einem Motivationsschreiben inkl. beigefügten Nachweisen für die gesuchten Qualifikationen (ohne Bewerbungsfoto) online unter: <https://jobportal.uni-koeln.de>.

Die Kennziffer ist TUV2605-02. Die Bewerbungsfrist endet am 04.06.2026.

Bei Fragen wenden Sie sich bitte an Frau Prof.' Dr.' Anna Poetsch (apoetsch@uni-koeln.de) und schauen Sie in unsere [FAQs](#).

